
Variables transférées par les RHC / ONCOLIN 2018

CodeBook synthétique avec champs conditionnels

Version 2.5 du 4 septembre 2018

Document

Nom du document	RNC_ RHC ONCOLIN 2018_CodeBook synthétique avec champs conditionnels
Version	Version 2.4
Date	24/08/2018
Description	Listes des variables transférées par les RHC vers le RNC, à l'aide du logiciel de saisie des données ONCOLIN. Pour chaque variable, les informations suivantes sont précisées : Nom, étiquette, format, modalités de réponse, module(s) concerné(s). Si applicable, les informations suivantes sont également précisées : champs conditionnels associés, filtre sur les modalités de réponse
Auteurs	Dr Sophie Couffignal, responsable opérationnelle RNC Julien Jacobs, data manager RNC David Marcic, informaticien RNC Laurent Nullens, informaticien RNC Stéphanie Saleh, épidémiologiste RNC
Mise en application	2015 (Développement ONCOLIN)

Historique du document

Date	Version	Auteur	Description
07/12/2015	v2.0	SC	Mise à jour ONCOLIN 2016
31/05/2017	v2.1	SC	Ajout des flags des dates & mise à jour ONCOLIN 2017
12/06/2017	v2.2	SC	Intégration commentaires équipe RNC
17/07/2017	2.3	SC	Ajout de la variable « Visée radiothérapie »
24/08/2018	2.4	JJ - SC	Mise à jour ONCOLIN 2018, dont l'introduction du TNM 8 ^{ème} édition
04/09/2018	2.5	SC	Correction des champs conditionnels des variables relatives à l'extension pathologique aux ggl régionaux (Poumon)

Sommaire

Modules	6
Variables PATIENT.....	7
1. Données d'enregistrement du patient.....	7
2. Données administratives du patient	8
3. Dernière adresse connue	8
4. Dernier suivi du patient	9
5. Décès	9
6. Commentaires Patient	10
Variables TUMEUR	11
A. Identification de la tumeur	11
1. Données d'enregistrement de la tumeur	11
2. Données d'identification de la tumeur	12
B. Caractéristiques de la tumeur.....	14
1. Description de la maladie & bilan	14
1.1. Données cliniques.....	14
1.2. Bilan initial	26
1.3. Bilan d'extension	29
1.4. Consultation génétique	34
2. Caractéristiques cliniques de la tumeur	36
2.1. Marqueurs tumoraux sériques	36
2.2. Mesures cliniques de la tumeur	38
2.3. Extension clinique aux chaînes ganglionnaires régionales au moment du diagnostic.....	39
2.4. Métastases cliniques au moment du diagnostic	47

2.5.	Extension clinique	48
2.6.	Immunoélectrophorèse des protéines sériques.....	50
2.7.	Autres examens biologiques.....	53
3.	Caractéristiques histologiques de la tumeur	53
3.1.	Cytologie	53
3.2.	Biopsie	55
3.3.	Marqueurs tumoraux tissulaires	57
3.4.	Facteurs pronostiques histologiques.....	59
3.5.	Mesures histologiques de la tumeur	60
3.6.	Extension pathologique aux chaînes ganglionnaires régionales au moment du diagnostic.....	61
3.7.	Métastases pathologiques au moment du diagnostic	69
3.8.	Extension pathologique	71
3.9.	Hémogramme.....	73
3.10.	Prélèvement médullaire	74
3.11.	Examen histologique ganglionnaire et extra-ganglionnaire.....	75
3.12.	Immunophénotypage	77
3.13.	Examen cytogénétique	78
3.14.	Biologie moléculaire	78
4.	Stade d'extension de la tumeur	79
5.	Commentaires Tumeur	87
C.	Traitement initial de la tumeur.....	87
1.	Traitement initial : Généralités	87
2.	Chirurgie	90
2.1.	Chirurgie de la tumeur primitive	90
2.2.	Procédure d'exérèse des ganglions régionaux.....	96

2.3.	Reconstruction mammaire	97
2.4.	Complications post-opératoires	98
3.	Radiothérapie.....	104
4.	Chimiothérapie	106
5.	Hormonothérapie	109
6.	Thérapie ciblée.....	111
7.	Greffe de cellules souches	112
8.	Commentaires Traitement	112
D.	Suivi de la tumeur	112
1.	Diagnostic révisé de la tumeur	112
2.	Récidive locorégionale	115
3.	Métastases à distance pendant le suivi	116
4.	Transformation	118
5.	Rémission complète.....	119
6.	Maladie réfractaire / progression	119
7.	Rechute.....	120
E.	Réunion de Concertation Pluridisciplinaire	120
1.	RCP : Généralités.....	120
2.	Participation.....	121
3.	Proposition thérapeutique	125
4.	Commentaires RCP	126

Modules

Module	Correspondance	Conditions
Tous les K	Toutes les Tumeurs malignes (tumeurs solides & HM)	Quelle que soit la valeur de T_TOPO & T_MORPHO
Base	Tumeurs solides, à l'exception des tumeurs solides ayant des variables spécifiques	Champs conditionnels : Si T_TOPO ≠ C18* ou C19* ou C20* ou C21* ou C34* ou C50* ou C61.9 & T_MORPHO < 9590
K sein	Cancers du sein	Champs conditionnels : Si T_TOPO = C50* & T_MORPHO < 9590
K poumon	Cancer du poumon	Champs conditionnels : Si T_TOPO = C34* & T_MORPHO < 9590
CCR	Cancer colorectal & du canal anal	Champs conditionnels : Si T_TOPO = C18* ou C19* ou C20* ou C21* & T_MORPHO < 9590
K prostate	Cancer de la prostate	Champs conditionnels : Si T_TOPO = C61.9 & T_MORPHO < 9590
HM	Hémopathies malignes	Champs conditionnels : Si T_MORPHO ≥ 9590

Variables PATIENT

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Modules
1. Données d'enregistrement du patient					
1	I_RHC_ETAB	Identification hôpital	F1	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = CFB <i>Génération automatique par ONCOLIN</i>	Tous les K
2	I_DMC_I_RHC_ETAB	Identification DMC	F2	Liste code DMC <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ nomenclature dépendante de « I_RHC_ETAB »	Tous les K
3	Pseudonyme	Pseudonyme	Chaine	<i>Génération automatique par le service de pseudonymisation</i>	Tous les K
4	I_REFUS_ON	Refus patient RNC	F1	1 = Oui / 2 = Non	Tous les K
5	I_CREATION_DATE_date	Date création Patient	DATE	<i>Génération automatique par ONCOLIN</i>	Tous les K
6	I_CREATION_DATE_datetype	Flag de la date création Patient	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <i>Génération automatique par ONCOLIN</i>	Tous les K
7	I_LAST_VERIF_DOSSIER_DATE_date	Date dernière vérification dossier Patient	DATE		Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Modules
8	I_LAST_VERIF_DOSSIER_DATE_datetype	Flag de la date dernière vérification dossier Patient	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <i>Génération automatique par ONCOLIN</i>	Tous les K
2. Données administratives du patient					
9	I_AFFILIATION	Affiliation	F2	1 = CNS / 2 = RCAM / 3 = Autre Luxembourg / 4 = Allemagne / 5 = Belgique / 6 = France / 7 = Portugal / 8 = Autre pays / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
10	I_NAISS_DATE_date	Date de naissance	DATE		Tous les K
11	I_NAISS_DATE_datetype	Flag de la date de naissance	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
12	I_NAISS_PAYS	Pays de naissance	F3	Liste nomenclature Pays / -1 = Inconnu	Tous les K
13	I_SEXE	Sexe administratif	F1	1 = Homme / 2 = Femme	Tous les K
14	I_SEXEMED	Sexe médical	F1	1 = Homme / 2 = Femme / 3 = Hermaphrodite / 4 = Transsexuel	Tous les K
15	I_TRAIT_KONTACT	Code RNC médecin traitant	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
3. Dernière adresse connue					
16	I_PAYS	Pays de résidence dernier contact	F3	Liste nomenclature Pays / -1 = Inconnu	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Modules
17	I_COMMUNE	Code Commune de résidence dernier contact	F5	Liste nomenclature Commune / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_PAYS = LUX ou France ou Belgique ou Allemagne ou Portugal ➔ champ non grisé	Tous les K
4. Dernier suivi du patient					
18	I_DERNIER_ETAT	Statut dernier contact	F1	1 = En vie / 2 = Décédé	Tous les K
19	I_DERNIER_DATE_date	Date dernier contact	DATE		Tous les K
20	I_DERNIER_DATE_datatype	Flag de la date du dernier contact	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
5. Décès					
21	I_DECES_DATE_date	Date du décès	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_DERNIER_ETAT = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
22	I_DECES_DATE_datatype	Flag de la date du décès	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_DERNIER_ETAT = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
23	I_DECESCAUSE	Cause du décès	F1	1 = Décès en lien avec un cancer / 2 = Autre cause / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_DERNIER_ETAT = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Modules
24	I_AUTOPSIE	Autopsie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_DERNIER_ETAT = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
25	I_AUTOPSIE_RESULT_TEXT	Résultats autopsie	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_AUTOPSIE = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
6. Commentaires Patient					
26	I_COMMENT	Commentaires Table PATIENT	TEXTE		Tous les K

Variables TUMEUR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
A. Identification de la tumeur					
1. Données d'enregistrement de la tumeur					
27	T_ID	Identification Tumeur RHC	F9	Génération automatique par ONCOLIN	Tous les K
28	T_CREATION_DATE_date	Date création Tumeur RHC	DATE	Génération automatique par ONCOLIN	Tous les K
29	T_CREATION_DATE_datatype	Flag de la date création Tumeur	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu Génération automatique par ONCOLIN	Tous les K
30	T_LAST_VERIF_DOSSIER_DATE_date	Date dernière vérification données Tumeur	DATE		Tous les K
31	T_LAST_VERIF_DOSSIER_DATE_datatype	Flag de la date dernière vérification données Tumeur	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
32	T_CAS_TRANSFERE_PAR_HOP	Cas transféré	F2	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = Autre établissement au Luxembourg / 7 = Hôpital à l'étranger / 8 = Cabinet médical en ville / 9 = CFB / 10 = Centre de radiothérapie à l'étranger / 11 = Service de médecine nucléaire, Luxembourg / 12 = Service de médecine nucléaire à l'étranger / 77 = Tumeur non prise en charge au CFB / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - variable uniquement pour le CFB avec les modalités de réponse 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 77 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si I_RHC_ETAB = 6 → champ non grisé	Tous les K
33	T_CONSENT_PKC	Consentement PKC	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	Tous les K
2. Données d'identification de la tumeur					
34	T_RANG	Rang tumeur	F2	1 → 99	Tous les K
35	T_INCIDENCE_DATE_date	Date d'incidence	DATE		Tous les K
36	T_INCIDENCE_DATE_datetype	Flag de la date d'incidence	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
37	T_BASEDIAG	Base du diagnostic	F1	0 = Certificat de décès uniquement / 1 = Clinique / 2 = Investigation clinique / 4 = Biomarqueurs tumoraux spécifiques / 5 = Cytologie / 6 = Histologie d'une métastase / 7 = Histologie de la tumeur primitive / -1 = Inconnu	Tous les K
38	T_TOPO	Topo	F3	Liste des codes CIM-O-3	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
39	T_TOPOPEAU	Topo cancer de la peau	F4	Liste des codes topo peau ENCR (<i>Liste du 19/08/2014</i>) <u>Champ conditionnel</u> : ▪ Si T_TOPO = C44* ➔ champ non grisé	Tous les K
40	T_LATERAL	Latéralité	F1	1 = Droite / 2 = Gauche / 3 = Bilatérale / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel</u> : ▪ Si T_TOPO = organes pairs ou apparentés (<i>cf. liste du 23/03/2017</i>) ➔ champ non grisé	Tous les K
41	T_MORPHO	Morpho	F5	Liste des codes CIM-O-3 (4 digits morpho & 1 digit comportement)	Tous les K
42	T_GRADE	Grade	F1	1 = Grade I / 2 = Grade II / 3 = Grade III / 4 = Grade IV / 5 = Cellule T / 6 = Cellule B / 7 = Cellule nulle / 8 = Cellule NK / 9 = Indéterminé <u>Filtre sur les modalités de réponse</u> : ▪ Base, K sein, K poumon, CCR & K Prostate : uniquement 1, 2, 3 4 ou 9 ▪ HM : uniquement 5, 6, 7, 8 ou 9	Tous les K
43	T_PRIMITIF_ORL	Primitif inconnu et adénopathies cervicales	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel</u> : ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 ▪ & T_BASEDIG = 6 ▪ & T_TOPO = C80.9 ▪ & T_MORPHO = M-8050/3 – M-8084/3 ➔ champ non grisé	Base

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
44	T_MULTIFOCAL_ON	Multifocalité	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO < 9590 → champ non grisé	Tous les K
45	T_PAYS	Pays de résidence diagnostic	F3	Liste nomenclature Pays / -1 = Inconnu	Tous les K
46	T_COMMUNE	Commune de résidence diagnostic	F5	Liste nomenclature Commune / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si I_PAYS = LUX ou France ou Belgique ou Allemagne ou Portugal → champ non grisé	Tous les K
B. Caractéristiques de la tumeur					
1. Description de la maladie & bilan					
1.1. Données cliniques					
47	T_CIRCDEC_T_TOPO	Circonstance de découverte	F1	1 = Urgence / 2 = Dépistage individuel / 3 = Dépistage organisé / 4 = Symptomatique / 5 = Découverte fortuite / 7 = Autre / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ K du sein : uniquement 3 ou 7 ou -1 ▪ CCR : uniquement 1 ou 2 ou 3 ou 7 ou -1 ▪ K de la prostate : uniquement 2 ou 4 ou 5 ou 7 ou -1	K sein CCR K prostate
48	T_PROST_ATCDFAM	Antécédents familiaux de cancer de la prostate	F1	1 = Oui, une personne / 2 = Oui, plusieurs personnes / 3 = Aucune personne / -1 = Inconnu	K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
49	T_ATCD_FAM_K_L3	Antécédents familiaux de cancer	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	CCR
50	T_ATCDPERSO	Antécédents de pathologies colorectales	F1	1 = Oui, PAF / 2 = Oui, HNPCC / 3 = Oui, rectocolite hémorragique / 4 = Oui, maladie de Crohn / 5 = Non / -1 = Inconnu	CCR
51	T_POIDS_PT	Poids du patient au moment du diagnostic (en kg)	F3	1 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	CCR
52	T_TAILLE_PT	Taille du patient au moment du diagnostic (en cm)	F3	1 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	CCR
53	T_IMC	IMC au moment du diagnostic	F2.1	1 ➔ 99.9 / NA (-2) / INC (-1)	CCR
54	T_TABAC	Statut tabagique du patient	F1	1 = Non-fumeur / 2 = Ancien fumeur / 3 = Fumeur actuel / -1 = Inconnu	K poumon
55	T_TABAC_PA	Nombre de paquets-années	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TABAC = 2 ou 3 ➔ champ non grisé	K poumon
56	T_PS	Score de performance (ECOG)	F1	0 = Capable d'une activité identique à celle précédant la maladie / 1 = Activité physique diminuée, mais malade ambulatoire et capable de travailler / 2 = Malade ambulatoire et capable de prendre soin de soi-même. Incapable de travailler et alité ou en chaise moins de 50% du temps / 3 = Capable seulement de quelques activités. Alité ou en chaise plus de 50% du temps / 4 = Incapable de prendre soin de soi-même. Alité ou en chaise en permanence / 5 = Décédé / -1 = Inconnu	K poumon CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
57	T_COMO	Comorbidité	F1	0 = Aucune comorbidité / 1 = Au moins une comorbidité / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon
58	T_COMO_IDM_ON	Comorbidités : Infarctus du myocarde	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
59	T_COMO_ICC_ON	Comorbidités : Insuffisance cardiaque congestive	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
60	T_COMO_VASC_PERI_ON	Comorbidités : Pathologie vasculaire périphérique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
61	T_COMO_AVC_ON	Comorbidités : Pathologie cérébrovasculaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
62	T_COMO_PULM_ON	Comorbidités : Pathologie pulmonaire chronique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
63	T_COMO_ULCERE_ON	Comorbidités : Pathologie ulcéreuse peptique gastroduodénale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
64	T_COMO_HEPA_ON	Comorbidités : Pathologie hépatique légère	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
65	T_COMO_HEPA_SEVERE_ON	Comorbidités : Pathologie hépatique modérée à sévère	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
66	T_COMO_DIAB_SEVERE_ON	Comorbidités : Diabète avec ou sans complication modérée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
67	T_COMO_DIAB_ON	Comorbidités : Diabète avec atteinte d'un organe cible	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
68	T_COMO_REIN_ON	Comorbidités : Insuffisance rénale modérée à sévère	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
69	T_COMO_SYSTEME_ON	Comorbidités : Maladie de système	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
70	T_COMO_DEMENCE_ON	Comorbidités : Démence	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
71	T_COMO_HEMIPLEGIE_ON	Comorbidités : Hémiplégie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
72	T_COMO_2EME_K_ON	Comorbidités : 2ème tumeur sans métastase	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
73	T_COMO_2EME_K_META_ON	Comorbidités : 2ème tumeur avec métastase	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
74	T_COMO_LEUCEMIE_ON	Comorbidités : Leucémie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
75	T_COMO_LYMPHOME_ON	Comorbidités : Lymphome, myélome	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
76	T_COMO_SIDA_ON	Comorbidités : SIDA	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
77	T_COMO_AUTRE_ON	Comorbidités : Autre	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMO = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé - Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
78	T_COMO_AUTRE_TEXT	Comorbidités : préciser autre	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_COMO_AUTRE_ON = 1 ➔ champ non grisé	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
79	T_CHARLSON	Indice de Charlson	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1) (pour le calcul de l'indice, se reporter à la fiche Indice de Charlson) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COMO = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si T_COMO = 0 ➔ Recodage automatique en « 0 » ▪ Si T_COMO = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_COMO = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
1.2. Bilan initial					
80	T_EXAMCLIN	Tumeur palpable	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein
81	T_MAMMODIAG	Mammographie diagnostique	F1	1 = Oui, mammographie diagnostique / 2 = Non, seulement une mammographie de dépistage / 4 = Aucune mammographie / -1 = Inconnu	K sein
82	T_MAMMODIAGRESULT	Résultats mammographie	F1	0 = Ininterprétable / 1 = Normal / 2 = Lésion avec des caractéristiques bénignes / 3 = Présence d'une anomalie de signification indéterminée / 4 = Caractéristiques suspectes de malignité / 5 = Caractéristiques malignes / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MAMMODIAG = 1 ou 2 ➔ champ non grisé	K sein
83	T_MAMMO_KONTACT	Code RNC radiologue mammographie	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MAMMODIAG = 1 ou 2 ➔ champ non grisé	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
84	T_ECHO_SEIN_L3	Echographie sein	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein
85	T_IRM_SEIN_L3	IRM sein	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein
86	T_TR	Toucher rectal	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	CCR K prostate
87	T_TR_RESULT	Résultat TR	F1	1 = Oui suspect / 2 = Non suspect / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TR = 1 ➔ champ non grisé	K prostate
88	T_PROST_ECHO	Echo prostatique transrectale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K prostate
89	T_PROST_ECHO_RESULT	Résultat écho prostatique	F1	1 = Oui suspect / 2 = Non suspect / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PROST_ECHO = 1 ➔ champ non grisé	K prostate
90	T_COLO	Coloscopie	F1	1 = Oui, complète / 2 = Oui, subtotale / 3 = Oui, sigmoïdoscopie / 4 = Oui, rectoscopie souple / 5 = Oui, sans précision / 6 = Non / -1 = Inconnu	CCR
91	T_COLO_DATE_date	Date coloscopie	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COLO = 1 à 5 ➔ champ non grisé	CCR
92	T_COLO_DATE_datatype	Flag de la date de la coloscopie	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COLO = 1 à 5 ➔ champ non grisé	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
93	T_COLO_VIRTUELLE_L3	Coloscopie virtuelle	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	CCR
94	T_COLO_VIRTUELLE_DATE_date	Date coloscopie virtuelle	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COLO_VIRTUELLE_L3 = 1 → champ non grisé	CCR
95	T_COLO_VIRTUELLE_DATE_datatype	Flag de la date de la coloscopie virtuelle	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_COLO_VIRTUELLE_L3 = 1 → champ non grisé	CCR
96	T_RECTO_L1	Rectoscopie rigide	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	CCR
97	T_RECTO_DATE_date	Date rectoscopie rigide	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RECTO_L1 = 1 → champ non grisé	CCR
98	T_RECTO_DATE_datatype	Flag de la date de la rectoscopie rigide	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RECTO_L1 = 1 → champ non grisé	CCR
99	T_ECHO_ENDO_L1	Echo-endoscopie rectale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	CCR
100	T_ECHO_ENDO_DATE_date	Date écho-endoscopie rectale	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_ECHO_ENDO_L1 = 1 → champ non grisé	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
101	T_ECHO_ENDO_DATE_datetype	Flag de la date de l'écho-endoscopie rectale	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_ECHO_ENDO_L1 = 1 → champ non grisé	CCR
1.3. Bilan d'extension					
102	T_RX_THORAX_L3	Radiographie thoracique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	CCR
103	T_ECHO_ABDO_L3	Echo abdominale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_ABDO_L3 = 1 (HM) → champ non grisé	CCR HM
104	T_SCAN_THORAX_L3	CT-scan thoracique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_THORAX_L3 = 1 (HM) → champ non grisé	CCR HM
105	T_SCAN_THORACOABDO_L3	CT-scan thoraco-abdominal	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	CCR
106	T_SCAN_ABDOPELVEN_L3	CT-scan abdomino-pelvien	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	CCR K prostate
107	T_IRM_ABDO_L3	IRM abdominale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_ABDO_L3 = 1 (HM) → champ non grisé	CCR HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
108	T_IRM_PELVIS_L3	IRM du pelvis	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_PELVIS_L3 = 1 (HM) ➔ champ non grisé	CCR HM
109	T_IRM_PROST_L3	IRM de la prostate	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K prostate
110	T_SCINTI_L3	Scintigraphie osseuse	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_OS_L3 = 1 (HM) ➔ champ non grisé	K prostate HM
111	T_PET_SCAN_L3	PET-scan	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein CCR HM
112	T_PET_SCAN_QD	Période PET-scan	F1	1 = Avant opération / 2 = Après opération / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 ➔ champ non grisé	K sein
113	T_IMG_PULM_L3	Imagerie pulmonaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein
114	T_IMG_PULM_QD	Période imagerie pulmonaire	F1	1 = Avant opération / 2 = Après opération / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_PULM_L3 = 1 ➔ champ non grisé	K sein
115	T_IMG_HEPA_L3	Imagerie hépatique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
116	T_IMG_HEPA_QD	Période imagerie hépatique	F1	1 = Avant opération / 2 = Après opération / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_HEPA_L3 = 1 → champ non grisé	K sein
117	T_IMG_OS_L3	Imagerie osseuse	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein HM
118	T_IMG_OS_QD	Période imagerie osseuse	F1	1 = Avant opération / 2 = Après opération / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_OS_L3 = 1 → champ non grisé	K sein
119	T_IMG_CEREBRAL_L3	Imagerie cérébrale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	K sein
120	T_IMG_CEREBRAL_QD	Période imagerie cérébrale	F1	1 = Avant opération / 2 = Après opération / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CEREBRAL_L3 = 1 → champ non grisé	K sein
121	T_IMG_CRANE_L3	Imagerie du crâne	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
122	T_SCAN_CRANE_L3	CT-scan du crâne	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CRANE_L3 = 1 → champ non grisé	HM
123	T_IRM_CRANE_L3	IRM du crâne	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CRANE_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
124	T_IMG_CERVICALE_L3	Imagerie cervicale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
125	T_ECHO_CERVICALE_L3	Echographie cervicale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CERVICALE_L3 = 1 → champ non grisé	HM
126	T_SCAN_CERVICAL_L3	CT-scan cervical	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CERVICALE_L3 = 1 → champ non grisé	HM
127	T_IRM_CERVICALE_L3	IRM cervicale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_CERVICALE_L3 = 1 → champ non grisé	HM
128	T_IMG_THORAX_L3	Imagerie thoracique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
129	T_IRM_THORAX_L3	IRM thoracique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_THORAX_L3 = 1 → champ non grisé	HM
130	T_IMG_ABDO_L3	Imagerie abdominale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
131	T_SCAN_ABDO_L3	CT-scan abdominal	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_ABDO_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
132	T_IMG_PELVIS_L3	Imagerie pelvienne	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
133	T_SCAN_PELVIS_L3	CT-scan pelvien	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_PELVIS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
134	T_RX_OS_L3	Radiographie du squelette	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_OS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
135	T_SCAN_OS_L3	CT-scan du squelette	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_OS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
136	T_IRM_OS_L3	IRM du squelette	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IMG_OS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
137	T_PET_SCAN_CEREBRAL_L3	Pet-scan cérébral	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 → champ non grisé	HM
138	T_PET_SCAN_THORAX_L3	Pet-scan thoracique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
139	T_PET_SCAN_ABDO_L3	Pet-scan abdominal	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
140	T_PET_SCAN_CORPS	PET-scan corps entier	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
141	T_PET_SCAN_AUTRE_L3	Pet-scan autre	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PET_SCAN_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
1.4. Consultation génétique					
142	T_CS_GENETIQUE_L7	Consultation génétique	F1	1 = Oui / 2 = Non / 3 = refus du patient / -2 = NA	Tous les K
143	T_CS_GENETIQUE_DATE_date	Date consultation génétique	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CS_GENETIQUE_L7 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
144	T_CS_GENETIQUE_DATE_datatype	Flag de la date de la consultation génétique	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CS_GENETIQUE_L7 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
145	T_CS_GENETIQUE_HOP	Etablissement consultation génétique	F2	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = Autre établissement au Luxembourg / 7 = Hôpital à l'étranger / 8 = Cabinet médical en ville / 9 = CFB / 10 = Centre de radiothérapie à l'étranger / 11 = Service de médecine nucléaire, Luxembourg / 12 = Service de médecine nucléaire à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - variable utilisant uniquement les modalités de réponse : 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CS_GENETIQUE_L7 = 1 → champ non grisé	Tous les K
146	T_BRCA1_L4	BRCA1	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_TOPO = C50* & T_MORPHO < 9590 OR - Si T_TOPO = C56.9 & T_MORPHO < 9590 & T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 → Champ non grisé	K sein Base : K des ovaires

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
147	T_BRCA2_L4	BRCA2	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_TOPO = C50* & T_MORPHO < 9590 OR - Si T_TOPO = C56.9 & T_MORPHO < 9590 & T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 ➔ Champ non grisé	K sein Base : K des ovaires
2. Caractéristiques cliniques de la tumeur					
2.1. Marqueurs tumoraux sériques					
148	T_ACE	Dosage ACE (en ng/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein CCR
149	T_CA125	Dosage Ca125 (en U/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base
150	T_CA153	Dosage Ca15.3 (en U/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein
151	T_CA199	Dosage Ca19.9 (en U/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base CCR
152	T_AFP	Dosage alpha-FP (en ng/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base
153	T_AHCG	Dosage alpha-hCG (en ng/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base
154	T_BHCG	Dosage beta-hCG (en ng/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base
155	T_HCG	Dosage hCG totale (en U/L)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
156	T_LDH	Dosage LDH (en U/L)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	Base
157	T_PSA	Dosage du PSA (en ng/ml)	F6.1	0 ➔ 999999.9 / NA (-2) / INC (-1)	K prostate
158	T_PSA_DATE_date	Date du dosage du PSA	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PSA ≥ 0 ➔ champ non grisé	K prostate
159	T_PSA_DATE_datatype	Flag de la date du dosage du PSA	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PSA ≥ 0 ➔ champ non grisé	K prostate
160	T_MARQUEURS_SERUM_LABO	Labo marqueurs tumoraux sériques	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si au moins un des marqueurs tumoraux sériques ≥ 0 (T_ACE, T_CA125, T_CA153, T_CA199, T_AFP, T_AHCG, T_BHCG, T_HCG, T_LDH, T_PSA) ➔ champ non grisé	Base K sein CCR K prostate
161	T_PCA3	Dosage du PCA3	F3	0 ➔ 125 / NA (-2) / INC (-1)	K prostate
162	T_PCA3_DATE_date	Date du dosage du PCA3	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PCA3 ≥ 0 ➔ champ non grisé	K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
163	T_PCA3_DATE_datetype	Flag de la date du dosage du PCA3	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PCA3 ≥ 0 ➔ champ non grisé	K prostate
164	T_PCA3_LABO	Labo PCA3	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PCA3 ≥ 0 ➔ champ non grisé	K prostate
2.2. Mesures cliniques de la tumeur					
165	T_PROSTATE_VOL	Volume prostatique (cm ³)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	K prostate
166	T_TAILLE_CLIN	Taille clinique tumeur (mm)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein K poumon CCR
167	T_TAILLE_CLIN_SOURCE	Source taille clinique	F1	1 = IRM / 2 = CT-scan / 3 = Echographie / 4 = Mammographie / 5 = Radiographie / 6 = PET-scan / 7 = Scopie / 8 = Palpation / 9 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ Base : uniquement 1, 2, 3, 5, 6, 7, 8, 9, -2, -1 ▪ Sein : uniquement 1, 3, 4, 8, 9, -2, -1 ▪ CCR : uniquement 1, 2, 3, 5, 6, 7, 9, -2, -1 ▪ Poumon : 1, 2, 5, 6, 7, 9, -2, -1	Base K sein K poumon CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
168	T_TAILLE_CLIN_SOURCE_AUTRE_TEXT	Préciser autre source taille clinique	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_TAILLE_CLIN_SOURCE = 9 → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR
169	T_DIST_ANALE	Distance marge anale (en mm)	F3	0 → 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> Si T_TOPO = C19* ou C20* ou C21* → champ non grisé	CCR
170	T_DIST_ANALE_SRC	Source distance marge anale	F1	1 = IRM / 2 = Echo-endoscopie rectale / 3 = Scopie / 4 = Toucher rectal / 5 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_DIST_ANALE ≥ 0 → champ non grisé	CCR
2.3. Extension clinique aux chaines ganglionnaires régionales au moment du diagnostic					
171	T_CLIN_SEIN_AXI_GGL2	Extension clin ggl axillaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
172	T_CLIN_SEIN_MAMM_GGL2	Extension clin ggl mammaires int	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
173	T_CLIN_SEIN_CLAV_INF_GGL2	Extension clin ggl sous-claviculaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
174	T_CLIN_SEIN_CLAV_SUP_GGL2	Extension clin ggl sus-claviculaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
175	T_CLIN_PULM	Extension clinique aux ggl pulmonaires	F1	0 = Aucune extension / 1 = Au moins une extension, localisation connue / 3 = Au moins une extension, localisation non connue / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon
176	T_CLIN_PULM1_GGL3	Extension clinique aux ganglions de la zone sus-claviculaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CLIN_PULM = 1 → champ non grisé ▪ Si T_CLIN_PULM = 0 → Recodage automatique en « 1 » ▪ Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 → Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_CLIN_PULM = -2 → Recodage automatique en « -2 »	K poumon
177	T_CLIN_PULM_MED_SUP_GGL3	Extension clinique aux ganglions de la zone médiastinale supérieure	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CLIN_PULM = 1 → champ non grisé ▪ Si T_CLIN_PULM = 0 → Recodage automatique en « 1 » ▪ Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 → Recodage automatique en « -1 » ▪ Si T_CLIN_PULM = -2 → Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
178	T_CLIN_PULM2_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais para-trachéal (N°2)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
179	T_CLIN_PULM3A_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais pré-trachéal (N°3a)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
180	T_CLIN_PULM3P_GGL	Extension clinique aux ganglions du relais rétro-trachéal (N°3p)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
181	T_CLIN_PULM4_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais para-trachéal inférieur (N°4)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
182	T_CLIN_PULM_AORTE_GGL	Extension clinique aux ganglions de la zone aorto-pulmonaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
183	T_CLIN_PULM5_GGL	Extension clinique aux ganglions du relais sous-aortique (N°5)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
184	T_CLIN_PULM6_GGL	Extension clinique aux ganglions du relais para-aortique (N°6)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 → champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 → Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 → Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 → Recodage automatique en « -2 »	K poumon
185	T_CLIN_PULM_CARENE_GGL	Extension clinique aux ganglions de la zone sous-carénaire (N°7)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 → champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 → Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 → Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 → Recodage automatique en « -2 »	K poumon
186	T_CLIN_PULM_MED_INF_GGL3	Extension clinique aux ganglions de la zone médiastinale inférieure	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 → champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 → Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 → Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 → Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
187	T_CLIN_PULM8_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais para-œsophagien (N°8)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
188	T_CLIN_PULM9_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais du ligament pulmonaire (N°9)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
189	T_CLIN_PULM_HILAIRE_GGL3	Extension clinique aux ganglions de la zone hilare & interlobaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
190	T_CLIN_PULM10_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais hilare (N°10)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
191	T_CLIN_PULM11_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais interlobaire (N°11)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
192	T_CLIN_PULM_PERIPH_GGL3	Extension clinique aux ganglions de la zone périphérique	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
193	T_CLIN_PULM12_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais lobaire (N°12)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
194	T_CLIN_PULM13_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais segmentaire (N°13)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
195	T_CLIN_PULM14_GGL3	Extension clinique aux ganglions du relais sous-segmentaire (N°14)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_CLIN_PULM = 1 ➔ champ non grisé - Si T_CLIN_PULM = 0 ➔ Recodage automatique en « 1 » - Si T_CLIN_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_CLIN_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
2.4. Métastases cliniques au moment du diagnostic					
196	T_META_CLIN_LYMPH_DIAG_L1	Extension clin méta lymphatiques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
197	T_META_CLIN_CEREBRALE_DIAG_L1	Extension clin méta cérébrales	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
198	T_META_CLIN_HEPA_DIAG_L1	Extension clin méta hépatiques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
199	T_META_CLIN_OS_DIAG_L1	Extension clin méta osseuses	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
200	T_META_CLIN_PULM_DIAG_L1	Extension clin méta pulmonaires	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
201	T_META_CLIN_AUTRE_DIAG_L1	Extension clin autre méta	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
202	T_META_CLIN_AUTRE_DIAG_TEXT	Préciser extension clin autre méta	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_META_CLIN_AUTRE_DIAG_L1 = 1 → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
2.5. Extension clinique					
203	T_CT_T_TOPO_T_MORPHO	cT	F3	777 = Tx / 000 = T0 / 010 = Ta / 001 = Tis / 002 = Tis_Paget / 003 = Tis_up / 004 = Tis_cp / 005 = Tis_pu / 006 = Tis_LAMN / 100 = T1 / 101 = T1mi / 110 = T1a / 111 = T1a1 / 112 = T1a2 / 120 = T1b / 121 = T1b1 / 122 = T1b2 / 130 = T1c / 131 = T1c1 / 132 = T1c2 / 133 = T1c3 / 140 = T1d / 200 = T2 / 210 = T2a / 211 = T2a1 / 212 = T2a2 / 220 = T2b / 230 = T2c / 240 = T2d / 300 = T3 / 310 = T3a / 320 = T3b / 330 = T3c / 340 = T3d / 350 = T3e / 400 = T4 / 410 = T4a / 420 = T4b / 430 = T4c / 440 = T4d / 450 = T4e / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
204	T_CN_T_TOPO_T_MORPHO	cN	F3	777 = Nx / 000 = N0 / 100 = N1 / 101 = N1mi / 110 = N1a / 111 = N1a_sn / 120 = N1b / 130 = N1c / 200 = N2 / 210 = N2a / 220 = N2b / 230 = N2c / 300 = N3 / 310 = N3a / 320 = N3b / 330 = N3c / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
205	T_CM_T_TOPO_T_MORPHO	cM	F3	000 = M0 / 100 = M1 / 110 = M1a / 120 = M1b / 130 = M1c / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
206	T_C_EOD	cEOD	F1	1 = Tumeur in situ / 2 = Tumeur localisée à l'organe d'origine / 3 = Extension directe aux organes adjacents / 4 = Extension aux ganglions régionaux / 5 = 3 + 4 / 6 = Métastase à distance / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> T_C_EOD applicable uniquement si TNM non-applicable (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
2.6. Immunoélectrophorèse des protéines sériques					
207	T_IEPS_L3	Immunoélectrophorèse des protéines sériques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
208	T_IEPS_DATE_date	Date immunoélectrophorèse	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_IEPS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
209	T_IEPS_DATE_datatype	Flag de la date de l'immunoélectrophorèse	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_IEPS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
210	T_IEPS_LABO	Labo immunoélectrophorèse	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_IEPS_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
211	T_IGG	Taux IgG (en g/l)	F3.1	0 ➔ 999.9 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IEPS_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
212	T_IGA	Taux IgA (en g/l)	F3.1	0 ➔ 999.9 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IEPS_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
213	T_IGM	Taux d'IgM (en g/l)	F3.1	0 ➔ 999.9 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IEPS_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
214	T_CH_LOURDES_L3	Présence de chaines lourdes	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IEPS_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
215	T_CH_GAMMA_L3	Chaine gamma	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LOURDES_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
216	T_CH_ALPHA_L3	Chaine alpha	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LOURDES_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
217	T_CH_MU_L3	Chaine mu	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LOURDES_L3 = 1 → champ non grisé	HM
218	T_CH_DELTA_L3	Chaine delta	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LOURDES_L3 = 1 → champ non grisé	HM
219	T_CH_EPSILON_L3	Chaine epsilon	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LOURDES_L3 = 1 → champ non grisé	HM
220	T_CH_LEGERES_L3	Présence de chaines légères	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_IEPS_L3 = 1 → champ non grisé	HM
221	T_CH_KAPPA_L3	Chaine kappa	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LEGERES_L3 = 1 → champ non grisé	HM
222	T_CH_LAMBDA_L3	Chaine lambda	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CH_LEGERES_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
2.7. Autres examens biologiques					
223	T_PBJ	Protéinurie de Bence-Jones (en g par 24h)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	HM
224	T_CREATININE	Créatinine (en mg/L)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	HM
225	T_ALBUMINE	Albumine sérique (en g/dl)	F3.1	0 ➔ 999.9 / NA (-2) / INC (-1)	HM
226	T_B2M	Beta-2 microglobulinémie (en mg/L)	F3.1	0 ➔ 999.9 / NA (-2) / INC (-1)	HM
227	T_PL_L3	Ponction lombaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
228	T_PL_RESULT_L5	Résultat ponction lombaire	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PL_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
3. Caractéristiques histologiques de la tumeur					
3.1. Cytologie					
229	T_CYTO_CB	Cytologie	F1	1 = Non fait / 2 = Tumeur primitive / 3 = Adénopathie et/ou métastase à distance / 4 = Tumeur primitive & adénopathie et/ou métastase à distance / -1 = Inconnu	K sein K poumon
230	T_CYTO_DATE_date	Date cytologie	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K sein K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
231	T_CYTO_DATE_datetype	Flag de la date de la cytologie	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein K poumon
232	T_CYTO_TECH_CB2_T_TOPO	Technique cytologie localisation	F1	1 = Non fait / 2 = Palpation / 3 = Echographie / 4 = Stéréotaxie / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein
233	T_CYTO_LABO	Labo cytologie	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein K poumon
234	T_CYTO_KONTACT	Code RNC médecin cytologie	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
235	T_CYTORESULT	Résultats cytologie	F1	0 = Ininterprétable / 1 = Normal / 2 = Cellules épithéliales bénignes / 3 = Atypie probablement bénigne / 4 = Suspicion de malignité / 5 = Malin / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_CYTO_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein K poumon
3.2. Biopsie					
236	T_BIOPSIE_CB	Biopsie	F1	1 = Non fait / 2 = Tumeur primitive / 3 = Adénopathie et/ou métastase à distance / 4 = Tumeur primitive & adénopathie et/ou métastase à distance / -1 = Inconnu	K sein K poumon CCR K prostate
237	T_BIOPSIE_DATE_date	Date biopsie	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein K poumon K prostate
238	T_BIOPSIE_DATE_datetype	Flag de la date de la biopsie	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein K poumon K prostate
239	T_BIOPSIETYPE	Type de biopsie	F1	1 = Biopsie au trocart / 2 = Biopsie au trocart assistée par le vide / 3 = Biopsie chirurgicale diagnostique / 4 = Autre type / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 → champ non grisé	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
240	T_BIOPSIE_TECH_CB2_T_TOPO	Technique localisation biopsie	F1	1 = Non fait / 2 = Palpation / 3 = Echographie / 4 = Stéréotaxie / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K sein K prostate
241	T_BIOPSIE_NB	Nombre prélèvements biopsie	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K prostate
242	T_BIOPSIE_LABO	Labo biopsie	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K sein K poumon CCR K prostate
243	T_BIOPSIE_KONTACT	Code RNC médecin biopsie	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K sein
244	T_BIOPSIERESULT	Résultats biopsie	F1	0 = Ininterprétable / 1 = Tissu sain uniquement / 2 = Bénin / 3 = Lésion de malignité incertaine / 4 = Suspicion de malignité / 5 = Malin / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOPSIE_CB = 2 ou 3 ou 4 ➔ champ non grisé	K sein K poumon CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
3.3. Marqueurs tumoraux tissulaires					
245	T_HPVP16	HPV / p16	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TNM_EDITION = 8 ▪ & si la tumeur enregistrée fait partie des entités suivantes (cf. table des correspondances CIM-O-3 & TNM – 8^{ème} édition) : 1) <u>Carcinomes de l'oropharynx</u> : T_TOPO = C01.9 ou C05.1 ou C05.2 ou C09.0 ou C09.1 ou C09.8 ou C09.9 ou C10.0 ou C10.2 ou C10.3 ou C10.4 ou C10.8 ou C10.9 & T_MORPHO = 8000-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 2) <u>Carcinome épidermoïde primitif inconnu – Adénopathies cervicales</u> : T_PRIMITIF_ORL = 1 ➔ champ non grisé	Base
246	T_EBV	EBV	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TNM_EDITION = 8 ▪ & T_PRIMITIF_ORL = 1 ➔ champ non grisé	Base
247	T_RO_L5	RO	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
248	T_RO_PERC	RO en % cellules positives	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RO_L5 = 2 ➔ champ non grisé	K sein
249	T_PGR_L5	PR	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
250	T_PGR_PERC	PR en % cellules positives	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PGR_L5 = 2 ➔ champ non grisé	K sein
251	T_HER2NEU	HER2-neu	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif, sans précision / 3 = 1+ / 4 = 2+ / 5 = 3+ / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
252	T_HER2NEU_FISH_L5	HER2-neu FISH	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
253	T_KI67	Ki67	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	K sein
254	T_TTF1_L4	TTF-1	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon
255	T_ACTIVA_EGFR_L4	Mutation activatrice EGFR	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon
256	T_EML_ALK_L4	EML-ALK	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
257	T_MARQUEURS_TISSUS_LABO	Labo marqueurs tumoraux tissulaires	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si au moins un des marqueurs tissulaires = 0 ou 1 ou 2 (T_HPVP16, T_EBV, T_RO_L5, T_PGR_L5, T_HER2NEU, T_TTF1_L4, T_ACTIVA_EGFR_L4, T_EML_ALK_L4) - et/ou si T_HER2NEU_FISH_L5 = 0 à 5 - et/ou si T_KI67 ≥ 0 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon
3.4. Facteurs pronostiques histologiques					
258	T_INV_VASC_L5	Invasion vasculaire	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
259	T_INV_LYMPH_L5	Invasion lymphatique	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
260	T_EMBOLES_VASC_L5	Emboles vasculaires	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
261	T_SBR	SBR	F1	0 = Impossible à déterminer / 1 = Grade I / 2 = Grade II / 3 = Grade III / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
262	T_INVPROST	Envahissement tumoral de la prostate	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Moins de 50% d'un lobe / 2 = Plus de 50% d'un lobe / 3 = Envahissement des 2 lobes / -2 = NA / -1 = Inconnu	K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
263	T_EXT_EXTRA_CAPSULAIRE_L5	Extension extra-capsulaire	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K prostate
264	T_INV_PERI_NERF_L5	Infiltration des gaines péri-nerveuses	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu	K prostate
265	T_GLEASON	Gleason	F2	2 ➔ 10 / NA (-2) / INC (-1)	K prostate
266	T_INDEX_MITO	Index mitotique des GIST	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 8936 ➔ champ non grisé	Base CCR
267	T_PATHO_LABO	Labo diagnostic pathologique	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
268	T_PATHO_KONTACT	Code RNC médecin examen pièce op	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
3.5. Mesures histologiques de la tumeur					
269	T_TAILLE_HISTO	Taille histologique tumeur (en mm)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein K poumon CCR K prostate
270	T_DISTRESECTION	Distance marge de résection (en mm)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
271	T_RESIDU	Résidu tumoral	F1	7 = Rx / 0 = R0 / 1 = R1 / 2 = R2 / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
3.6. Extension pathologique aux chaines ganglionnaires régionales au moment du diagnostic					
272	T_NB_GGL_EXAM	Nb ggl examinés	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein K poumon CCR K prostate
273	T_NB_GGL_POS	Nb ggl positifs	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1)	Base K sein K poumon CCR K prostate
274	T_SN_FAIT	GGL sentinelle	F1	1 = Fait / 2 = Non fait / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel</u> : ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 ▪ & Si T_MORPHO < 9590 ➔ Champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
275	T_SN_META	Métastase GGL sentinelle	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel</u> : ▪ Si T_SN_FAIT = 1 ➔ Champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
276	T_SN_L1	Uniquement ggl sentinelle	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel modifié :</u> ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date < 01/01/2018 ▪ & Si T_MORPHO < 9590 ➔ Champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
277	T_PATHO_SEIN_AXI_GGL2	Extension patho ggl axillaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
278	T_PATHO_SEIN_MAMM_GGL2	Extension patho ggl mammaires int	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
279	T_PATHO_SEIN_CLAV_INF_GGL2	Extension patho ggl sous-claviculaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
280	T_PATHO_SEIN_CLAV_SUP_GGL2	Extension patho ggl sus-claviculaires	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, homolatéral / 3 = Positif, controlatéral / 4 = Positif, bilatéral / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu	K sein
281	T_PATHO_PULM	Extension patho aux ggl pulmonaires	F1	0 = Aucune extension / 1 = Au moins une extension, localisation connue / 3 = Au moins une extension, localisation non connue / -2 = NA / -1 = Inconnu	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
282	T_PATHO_PULM1_GGL3	Extension patho aux ganglions de la zone sus-claviculaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
283	T_PATHO_PULM_MED_SUP_GGL3	Extension patho aux ganglions de la zone médiastinale supérieure	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
284	T_PATHO_PULM2_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais para-trachéal (N°2)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
285	T_PATHO_PULM3A_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais pré-trachéal (N°3a)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
286	T_PATHO_PULM3P_GGL	Extension patho aux ganglions du relais rétro-trachéal (N°3p)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
287	T_PATHO_PULM4_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais para-trachéal inférieur (N°4)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
288	T_PATHO_PULM_AORTE_GGL	Extension patho aux ganglions de la zone aorto-pulmonaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
289	T_PATHO_PULM5_GGL	Extension patho aux ganglions du relais sous-aortique (N°5)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
290	T_PATHO_PULM6_GGL	Extension patho aux ganglions du relais para-aortique (N°6)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
291	T_PATHO_PULM_CARENE_GGL	Extension patho aux ganglions de la zone sous-carénaire (N°7)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
292	T_PATHO_PULM_MED_INF_GGL3	Extension patho aux ganglions de la zone médiastinale inférieure	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
293	T_PATHO_PULM8_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais para-œsophagien (N°8)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
294	T_PATHO_PULM9_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais du ligament pulmonaire (N°9)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
295	T_PATHO_PULM_HILAIRE_GGL3	Extension patho aux ganglions de la zone hilare & interlobaire	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
296	T_PATHO_PULM10_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais hilare (N°10)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
297	T_PATHO_PULM11_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais interlobaire (N°11)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
298	T_PATHO_PULM_PERIPH_GGL3	Extension patho aux ganglions de la zone périphérique	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
299	T_PATHO_PULM12_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais lobaire (N°12)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
300	T_PATHO_PULM13_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais segmentaire (N°13)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
301	T_PATHO_PULM14_GGL3	Extension patho aux ganglions du relais sous-segmentaire (N°14)	F1	1 = Négatif / 2 = Positif, à droite / 3 = Positif, à gauche / 4 = Positif, à droite et gauche / 5 = Positif, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_PATHO_PULM = 0 ou 1 ➔ champ non grisé - Si T_PATHO_PULM = 3 ou -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si T_PATHO_PULM = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	K poumon
3.7. Métastases pathologiques au moment du diagnostic					
302	T_META_PATHO_LYMPH_DIAG_L1	Extension patho méta lymphatiques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
303	T_META_PATHO_CEREBRALE_DIAG_L1	Extension patho méta cérébrales	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
304	T_META_PATHO_HEPA_DIAG_L1	Extension patho méta hépatiques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
305	T_META_PATHO_OS_DIAG_L1	Extension patho méta osseuses	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
306	T_META_PATHO_PULM_DIAG_L1	Extension patho méta pulmonaires	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
307	T_META_PATHO_AUTRE_DIAG_L1	Extension patho autre méta	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
308	T_META_PATHO_AUTRE_DIAG_TEXT	Préciser extension patho autre méta	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_META_PATHO_AUTRE_DIAG_L1 = 1 → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
3.8. Extension pathologique					
309	T_PT_T_TOPO_T_MORPHO	pT	F3	777 = Tx / 000 = T0 / 010 = Ta / 001 = Tis / 002 = Tis_Paget / 003 = Tis_up / 004 = Tis_cp / 005 = Tis_pu / 006 = Tis_LAMN / 100 = T1 / 101 = T1mi / 110 = T1a / 111 = T1a1 / 112 = T1a2 / 120 = T1b / 121 = T1b1 / 122 = T1b2 / 130 = T1c / 131 = T1c1 / 132 = T1c2 / 133 = T1c3 / 140 = T1d / 200 = T2 / 210 = T2a / 211 = T2a1 / 212 = T2a2 / 220 = T2b / 230 = T2c / 240 = T2d / 300 = T3 / 310 = T3a / 320 = T3b / 330 = T3c / 340 = T3d / 350 = T3e / 400 = T4 / 410 = T4a / 420 = T4b / 430 = T4c / 440 = T4d / 450 = T4e / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
310	T_PN_T_TOPO_T_MORPHO	pN	F3	777 = Nx / 000 = N0 / 100 = N1 / 101 = N1mi / 110 = N1a / 111 = N1a_sn / 120 = N1b / 130 = N1c / 200 = N2 / 210 = N2a / 220 = N2b / 230 = N2c / 300 = N3 / 310 = N3a / 320 = N3b / 330 = N3c / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
311	T_PM_T_TOPO_T_MORPHO	pM	F3	000 = M0 / 100 = M1 / 110 = M1a / 120 = M1b / 130 = M1c / 140 = M1d / 150 = M1e / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) → champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
312	T_P_EOD	pEOD	F1	1 = Tumeur in situ / 2 = Tumeur localisée à l'organe d'origine / 3 = Extension directe aux organes adjacents / 4 = Extension aux ganglions régionaux / 5 = 3 + 4 / 6 = Métastase à distance / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> T_P_EOD applicable uniquement si TNM non-applicable (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
3.9. Hémogramme					
313	T_HEMOG_L3	Hémogramme	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
314	T_HEMOG_RESULT_L5	Résultat hémogramme	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_HEMOG_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
315	T_HEMOG_DATE_date	Date hémogramme	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_HEMOG_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
316	T_HEMOG_DATE_datatype	Flag de la date de l'hémogramme	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_HEMOG_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
3.10. Prélèvement médullaire					
317	T_MYELOG_L3	Myélogramme	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
318	T_MYELOG_RESULT	Résultat myélogramme (en % de blastes)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MYELOG_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
319	T_BOM_L3	Biopsie ostéo-médullaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
320	T_BOM_RESULT	Résultat biopsie ostéo-médullaire (en % de blastes)	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BOM_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
321	T_PLTM_DATE_date	Date prélèvement médullaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MYELOG_L3 = 1 ▪ et/ou si T_BOM_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
322	T_PLTM_DATE_datetype	Flag de la date du prélèvement médullaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MYELOG_L3 = 1 ▪ et/ou si T_BOM_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
323	T_PLTM_LABO	Labo examen prélèvement médullaire	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_MYELOG_L3 = 1 - et/ou si T_BOM_L3 = 1 → champ non grisé	HM
3.11. Examen histologique ganglionnaire et extra-ganglionnaire					
324	T_PATHO_HEMATO_GGL_L3	Examen histologique ganglionnaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
325	T_PATHO_HEMATO_GGL_RESULT_L5	Résultat prélèvement ganglionnaire	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_PATHO_HEMATO_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM
326	T_PATHO_HEMATO_GGL_DATE_date	Date examen histologique ganglionnaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_PATHO_HEMATO_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM
327	T_PATHO_HEMATO_GGL_DATE_datetype	Flag de la date de l'examen histologique ganglionnaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_PATHO_HEMATO_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
328	T_PATHO_HEMATO_GGL_LABO	Labo examen histologique ganglionnaire	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PATHO_HEMATO_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM
329	T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_L3	Examen histologique extra-ganglionnaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
330	T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_RESULT_L5	Résultat prélèvement extra-ganglionnaire	F1	0 = Impossible à établir / 1 = Négatif / 2 = Positif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM
331	T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_DATE_date	Date examen histologique extra-ganglionnaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM
332	T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_DATE_datetype	Flag de la date de l'examen histologique extra-ganglionnaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_L3= 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
333	T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_LABO	Labo examen histologique extra-ganglionnaire	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PATHO_HEMATO_EXTRA_GGL_L3= 1 ➔ champ non grisé	HM
3.12. Immunophénotypage					
334	T_PHENOTYPE_L3	Immunophénotypage des cellules tumorales	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
335	T_PHENOTYPE_DATE_date	Date Immunophénotypage	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PHENOTYPE_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
336	T_PHENOTYPE_DATE_datetype	Flag de la date de l'Immunophénotypage	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PHENOTYPE_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM
337	T_PHENOTYPE_LABO	Labo Immunophénotypage	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_PHENOTYPE_L3 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
3.13. Examen cytogénétique					
338	T_CYTOGENETIC_L3	Examen cytogénétique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
339	T_CYTOGENETIC_DATE_date	Date examen cytogénétique	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_CYTOGENETIC_L3 = 1 → champ non grisé	HM
340	T_CYTOGENETIC_DATE_datetype	Flag de la date de l'examen cytogénétique	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_CYTOGENETIC_L3 = 1 → champ non grisé	HM
341	T_CYTOGENETIC_LABO	Labo examen cytogénétique	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_CYTOGENETIC_L3 = 1 → champ non grisé	HM
3.14. Biologie moléculaire					
342	T_BIOMOL_L3	Biologie moléculaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -1 = Inconnu	HM
343	T_BIOMOL_DATE_date	Date biologie moléculaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_BIOMOL_L3 = 1 → champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
344	T_BIOMOL_DATE_datetype	Flag de la date de la biologie moléculaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOMOL_L3 = 1 → champ non grisé	HM
345	T_BIOMOL_LABO	Labo biologie moléculaire	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_BIOMOL_L3 = 1 → champ non grisé	HM
4. Stade d'extension de la tumeur					
346	T_TNM_EDITION	TNM édition	F1	7 = 7ème édition / 8 = 8ème édition / -2 = NA <i>Codage automatique par ONCOLIN</i> <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si le TNM est applicable : En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_INCIDENCE_DATE_date (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM - 7ème - 8ème édition) ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date < 01/01/2018 & TNM Applicable → Codage automatique en « 7 » ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 & TNM Applicable → Codage automatique en « 8 »	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
347	T_STADE_T_TOPO_T_MORPHO	Stade	F3	555 = Stade Occulte / 000 = Stade 0 / 001 = Stade 0a / 002 = Stade 0is / 100 = Stade I / 110 = Stade IA / 111 = Stade IA1 / 112 = Stade IA2 / 113 = Stade IA3 / 120 = Stade IB / 121 = Stade IB1 / 122 = Stade IB2 / 130 = Stade IC / 140 = Stade IS / 200 = Stade II / 210 = Stade IIA / 211 = Stade IIA1 / 212 = Stade IIA2 / 220 = Stade IIB / 230 = Stade IIC / 300 = Stade III / 310 = Stade IIIA / 311 = Stade IIIA1 / 312 = Stade IIIA2 / 320 = Stade IIIB / 330 = Stade IIIC / 331 = Stade IIIC1 / 332 = Stade IIIC2 / 340 = Stade IIID / 400 = Stade IV / 410 = Stade IVA / 420 = Stade IVB / 430 = Stade IVC / 777 = Stade indéterminé / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - En fonction de T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 7^{ème} édition – 8^{ème} édition) ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

348	T_STADE_CLIN	Stade clinique	F3	555 = Stade Occulte / 000 = Stade 0 / 001 = Stade 0a / 002 = Stade 0is / 100 = Stade I / 110 = Stade IA / 111 = Stade IA1 / 112 = Stade IA2 / 113 = Stade IA3 / 120 = Stade IB / 121 = Stade IB1 / 122 = Stade IB2 / 130 = Stade IC / 140 = Stade IS / 200 = Stade II / 210 = Stade IIA / 211 = Stade IIA1 / 212 = Stade IIA2 / 220 = Stade IIB / 230 = Stade IIC / 300 = Stade III / 310 = Stade IIIA / 311 = Stade IIIA1 / 312 = Stade IIIA2 / 320 = Stade IIIB / 330 = Stade IIIC / 331 = Stade IIIC1 / 332 = Stade IIIC2 / 340 = Stade IIID / 400 = Stade IV / 410 = Stade IVA / 420 = Stade IVB / 430 = Stade IVC / 777 = Stade indéterminé / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_TNM_EDITION = 8 & si la tumeur enregistrée fait partie des entités suivantes (cf. table des correspondances CIM-O-3 & TNM – 8^{ème} édition) : <u>Carcinomes de l'oropharynx & HPV / p16 positif</u> : T_TOPO = C01.9 ou C05.1 ou C05.2 ou C09.0 ou C09.1 ou C09.8 ou C09.9 ou C10.0 ou C10.2 ou C10.3 ou C10.4 ou C10.8 ou C10.9 & T_MORPHO = 8000-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 & T_HPV_P16 = 2 <u>Carcinome épidermoïde primitif inconnu – Adénopathies cervicales & HPV / p16 positif</u> : T_PRIMITIF_ORL = 1 & T_HPV_P16 = 2 <u>Carcinomes de l'œsophage et de la jonction œsogastrique</u> : T_TOPO = C15* ou C16.0 & T_MORPHO =	Base
-----	--------------	----------------	----	---	------

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
				8000-8149 ou 8140-8380 ou 8190-8231 ou 8255-8264 ou 8310 ou 8320 ou 8323 ou 8360 ou 8430 ou 8480 – 8481 ou 8490 ou 8500-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 4) <u>Carcinomes de l'estomac</u> : T_TOPO = C16.1 ou C16.2 ou C16.3 ou C16.4 ou C16.5 ou C16.6 ou C16.8 ou C16.9 & T_MORPHO = 8000-8012 ou 8014-8035 ou 8046-8149 ou 8154 ou 8190-8231 ou 8255-8420 ou 8440-8490 ou 8500-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8983 5) <u>Carcinoïdes de haut grade de l'estomac</u> : T_TOPO = C16.1 ou C16.2 ou C16.3 ou C16.4 ou C16.5 ou C16.6 ou C16.8 ou C16.9 & T_MORPHO = 8013 ou 8041 ou 8152-8153 ou 8156 ou 8240-8246 ou 8249 & T_GRADE = 3 ou 4 ou 9 6) <u>Mélanomes cutanés</u> : T_TOPO = C44* ou C51* ou C60* ou C63.2 & T_MORPHO = 8720-8790 7) <u>Carcinomes cutanés à cellules de Merkel</u> : T_TOPO = C44* ou C63.2 & T_MORPHO = 8247 8) <u>Rétinoblastome</u> : T_TOPO = C69.2 & T_MORPHO = 9510-9514 ➔ champ non grisé	

349	T_STADE_PATHO	Stade pathologique	F3	555 = Stade Occulte / 000 = Stade 0 / 001 = Stade 0a / 002 = Stade 0is / 100 = Stade I / 110 = Stade IA / 111 = Stade IA1 / 112 = Stade IA2 / 113 = Stade IA3 / 120 = Stade IB / 121 = Stade IB1 / 122 = Stade IB2 / 130 = Stade IC / 140 = Stade IS / 200 = Stade II / 210 = Stade IIA / 211 = Stade IIA1 / 212 = Stade IIA2 / 220 = Stade IIB / 230 = Stade IIC / 300 = Stade III / 310 = Stade IIIA / 311 = Stade IIIA1 / 312 = Stade IIIA2 / 320 = Stade IIIB / 330 = Stade IIIC / 331 = Stade IIIC1 / 332 = Stade IIIC2 / 340 = Stade IIID / 400 = Stade IV / 410 = Stade IVA / 420 = Stade IVB / 430 = Stade IVC / 777 = Stade indéterminé / -2 = NA <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Variable et nomenclature filtrées par T_TOPO & T_MORPHO & T_TNM_EDITION (cf. tables des correspondances CIM-O-3 & TNM – 8^{ème} édition) <u>Champ conditionnel :</u> - Si T_TNM_EDITION = 8 & si la tumeur enregistrée fait partie des entités suivantes (cf. table des correspondances CIM-O-3 & TNM – 8^{ème} édition) : <u>Carcinomes de l'oropharynx & HPV / p16 positif</u> : T_TOPO = C01.9 ou C05.1 ou C05.2 ou C09.0 ou C09.1 ou C09.8 ou C09.9 ou C10.0 ou C10.2 ou C10.3 ou C10.4 ou C10.8 ou C10.9 & T_MORPHO = 8000-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 & T_HPVP16 = 2 <u>Carcinome épidermoïde primitif inconnu – Adénopathies cervicales & HPV / p16 positif</u> : T_PRIMITIF_ORL = 1 & T_HPVP16 = 2 <u>Carcinomes de l'œsophage et de la jonction œsogastrique</u> : T_TOPO = C15* ou C16.0 & T_MORPHO =	Base
-----	---------------	--------------------	----	---	------

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
				8000-8149 ou 8140-8380 ou 8190-8231 ou 8255-8264 ou 8310 ou 8320 ou 8323 ou 8360 ou 8430 ou 8480 – 8481 ou 8490 ou 8500-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 4) <u>Carcinomes de l'estomac</u> : T_TOPO = C16.1 ou C16.2 ou C16.3 ou C16.4 ou C16.5 ou C16.6 ou C16.8 ou C16.9 & T_MORPHO = 8000-8012 ou 8014-8035 ou 8046-8149 ou 8154 ou 8190-8231 ou 8255-8420 ou 8440-8490 ou 8500-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8983 5) <u>Carcinoïdes de haut grade de l'estomac</u> : T_TOPO = C16.1 ou C16.2 ou C16.3 ou C16.4 ou C16.5 ou C16.6 ou C16.8 ou C16.9 & T_MORPHO = 8013 ou 8041 ou 8152-8153 ou 8156 ou 8240-8246 ou 8249 & T_GRADE = 3 ou 4 ou 9 6) <u>Mélanomes cutanés</u> : T_TOPO = C44* ou C51* ou C60* ou C63.2 & T_MORPHO = 8720-8790 7) <u>Carcinomes cutanés à cellules de Merkel</u> : T_TOPO = C44* ou C63.2 & T_MORPHO = 8247 8) <u>Rétinoblastome</u> : T_TOPO = C69.2 & T_MORPHO = 9510-9514 ➔ champ non grisé	

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
350	T_GROUPEPRONOSTIC	Groupement pronostic	F3	100 = Groupe I / 210 = Groupe IIA / 220 = Groupe IIB / 300 = Groupe III / 400 = Groupe IV / 777 = Groupe indéterminé / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date < 01/01/2018 ▪ & T_TOPO = C61.9 ▪ & T_MORPHO = 8000-8110 ou 8140-8231 ou 8255-8263 ou 8310 ou 8320 ou 8380-8576 ou 8940-8941 ou 8980-8981 ➔ champ non grisé	K prostate
351	T_ANNARBOR	Stade Ann Arbor	F2	10 = Stade I / 11 = Stade IE / 20 = Stade II / 21 = Stade IIE / 30 = Stade III / 31 = Stade III E / 32 = Stade IIIS / 33 = Stade IIIES / 40 = Stade IV / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date < 01/01/2018 ▪ & T_MORPHO = 9590 à 9596 ou 9650 à 9667 ou 9670 à 9729 ▪ & T_TOPO ≠ C44* ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
352	T_LUGANO	Stade Lugano	F2	10 = Stade I / 11 = Stade IE / 20 = Stade II / 21 = Stade IIE / 22 = Stade II Bulky / 30 = Stade III / 32 = Stade IIIS / 40 = Stade IV / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_INCIDENCE_DATE_date ≥ 01/01/2018 ▪ & T_MORPHO = 9590 à 9596 ou 9650 à 9667 ou 9670 à 9729 ▪ & T_TOPO ≠ C44* ➔ Champ non grisé	HM
353	T_ANNARBOR_CLIN	Stade Ann Arbor_Clinique	F1	1 = Stade A / 2 = Stade B / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9650 à 9667 ▪ & T_TOPO ≠ C44* ➔ champ non grisé	HM
354	T_STJUDE	Classification de Saint-Jude	F1	1 = Stade I / 2 = Stade II / 3 = Stade III / 4 = Stade IV / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9590 à 9596 ou 9670 à 9729 ▪ & T_TOPO ≠ C44* ▪ & T_AGE_DIAG (variable opérationnelle) < 15 ans ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
355	T_SALMONDURIE	Classification de Salmon & Durie	F1	1 = Stade I / 2 = Stade II / 3 = Stade III / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9731 ou 9732 ➔ champ non grisé	HM
356	T_SALMONDURIE_RENALE	Salmon & Durie_fonction rénale	F1	1 = Stade A / 2 = Stade B / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9731 ou 9732 ➔ champ non grisé	HM
357	T_ISS	Score Pronostique International	F1	1 = Stade I / 2 = Stade II / 3 = Stade III / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9731 ou 9732 ➔ champ non grisé	HM
358	T_IPSS	International Prognostic Scoring System	F1.1	0 ➔ 3.5 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_MORPHO = 9980 à 9992 ➔ champ non grisé	HM
5. Commentaires Tumeur					
359	T_COMMENT	Commentaires Table TUMEUR	TEXTE		Tous les K
C. Traitement initial de la tumeur					
1. Traitement initial : Généralités					
360	T_TT_INITIAL_L2	TT initial	F1	1 = Oui / 2 = Non / 3 = Refus du patient de tout traitement / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
361	T_TT_ESSAI_CLIN_L1	Essai thérapeutique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TT_INITIAL_L2 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
362	T_TT_ESSAI_CLIN_CODE	Code essai thérapeutique	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TT_ESSAI_CLIN_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
363	T_TT_AUTRES_TEXT	Autres TT	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TT_INITIAL_L2 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
364	TT_ID	Identification traitement	Chaine	Génération automatique par ONCOLIN	Tous les K
365	TT_TTYPE_T_MORPHO	Type de traitement	F1	1 = Chirurgie / 2 = Radiothérapie / 3 = Chimiothérapie / 4 = Hormonothérapie / 5 = Thérapie ciblée / 6 = Greffe de cellules souches / 7 = Surveillance / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ K du sein & K de la prostate : uniquement 1, 2, 3, 4, 5, 7, -2 ou -1 ▪ CCR & K du poumon : uniquement 1, 2, 3, 5, 7, -2 ou -1 ▪ Autre tumeur solide : uniquement 1, 2, 3, 4, 5, 7, -2 ou -1 ▪ HM : uniquement 2, 3, 5, 6, 7, -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TT_INITIAL_L2 = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
366	TT_SURVEILLANCE	Surveillance	F2	1 = Oui, abstention-surveillance / 2 = Oui, surveillance active / 3 = Oui, sans précision / 4 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 7 ➔ champ non grisé	K prostate HM
367	TT_REFUS_PATIENT_ON	Refus par type de traitement	F1	1 = Oui / 2 = Non <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 à 6 ➔ champ non grisé	Tous les K
368	TT_DATE_date	Date du traitement	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 à 7 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
369	TT_DATE_datatype	Flag de la date du traitement	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 à 7 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
370	TT_KONTACT	Code RNC du médecin ayant réalisé le TT	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 à 7 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
371	TT_TTHOP_TT_TTYPE_T_MORPHO	Etablissement où a été réalisé le TT	F2	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = Autre établissement au Luxembourg / 7 = Hôpital à l'étranger / 8 = Cabinet médical en ville / 9 = CFB / 10 = Centre de radiothérapie à l'étranger / 11 = Service de médecine nucléaire, Luxembourg / 12 = Service de médecine nucléaire à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> nomenclature filtrée par type de traitement : - Chirurgie (TT_TTYPE_T_MORPHO = 1) : uniquement 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, -2 ou -1 - Radiothérapie (TT_TTYPE_T_MORPHO = 2): uniquement 9, 10, 11, 12, -2 ou -1 - Chimiothérapie, hormonothérapie & thérapie ciblée (TT_TTYPE_T_MORPHO = 3 ou 4 ou 5): uniquement 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, -2 ou -1 - Grefe de cellules souches (TT_TTYPE_T_MORPHO = 6): uniquement 0, 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 à 6 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
2. Chirurgie					
2.1. Chirurgie de la tumeur primitive					
372	TT_CHIRTYPE_T_TOPO	Type de chirurgie	F3	101 = Exérèse par endoscopie / 102 = Hémi-colectomie / 103 = Hémi-colectomie élargie / 104 = Sigmœidectomie / 105 = Colectomie subtotal / 106 = Colectomie totale / 107 = Résection recto-sigmoïdienne / 108 = Résection antérieure du rectum sans	K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
				TME / 109 = Résection antérieure du rectum avec Amputation abdomino-périnéale / 111 = Opération de Hartmann / 201 = Thoracotomie exploratrice / 202 = Résection par voie endoscopique / 203 = Pneumonectomie / 204 = Lobectomie / 205 = Bi-lobectomie / 206 = Segmentectomie anatomique / 207 = Résection non-anatomique / 301 = Tumorectomie / 303 = Mastectomie d'épargne cutanée / 304 = Mastectomie radicale / 401 = Résection transurétrale de la prostate / 402 = Adénomectomie prostatique / 403 = Prostatectomie radicale / 404 = Prostatectomie radicale & cystectomie / 501 = Résection transurétrale de la vessie / 502 = Cystectomie partielle / 503 = Cystectomie radicale / 777 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - CCR : uniquement 101 ou 102 ou 103 ou 104 ou 105 ou 106 ou 107 ou 108 ou 109 ou 110 ou 111 ou 777 ou -2 ou -1 - K du poumon : uniquement 201 ou 202 ou 203 ou 204 ou 205 ou 206 ou 207 ou 777 ou -2 ou -1 - K du sein : uniquement 301 ou 303 ou 304 ou 777 ou -2 ou -1 - K de la prostate : uniquement 401 ou 402 ou 403 ou 404 ou 777 ou -2 ou -1 - K de la vessie (T_TOPO = 67* & T_MORPHO < 9590): uniquement 501 ou 502 ou 503 ou 777 ou -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Base : K de la vessie

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
373	TT_CHIRPULMELARGIE	Résection pulmonaire élargie	F2	1 = Non élargie / 2 = Extra-pleurale / 3 = Paroi thoracique / 4 = Médiastin / 5 = Diaphragme / 6 = « Sleeve » lobectomie / 7 = « Sleeve » pneumonectomie / 8 = Vascular sleeve resection / 9 = « Double sleeve » résection / 77 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K poumon
374	TT_CHIR_PROST_TYPE_AUTRE_TEXT	Préciser autre type de chirurgie prostatique	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CHIRTYPE_T_TOPO = 777 → champ non grisé	K prostate
375	TT_CHIRVOIE_T_TOPO	Voie d'abord	F3	101 = Laparoscopie / 102 = Laparotomie / 103 = Conversion / 104 = TEM / 201 = Thoracoscopie / 202 = Thoracotomie / 203 = Technique hybride / 401 = Laparoscopie trans-péritonéale / 402 = Laparoscopie extra-péritonéale / 403 = Voie ouverte rétro-pubienne / 404 = Voie ouverte trans-périnéale / 777 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - CCR : uniquement 101 ou 102 ou 103 ou 104 ou -2 ou -1 - K du poumon : uniquement 201 ou 202 ou 203 ou -2 ou -1 - K de la prostate : uniquement 401 ou 402 ou 403 ou 404 ou 777 ou -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
376	TT_CHIRMODE	Mode d'intervention	F1	1 = Urgente / 2 = Elective / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	CCR
377	TT_CHIRCCRGESTES	Gestes chirurgicaux associés	F2	1 = Aucun geste chirurgical associé / 2 = Curage ganglionnaire / 3 = Annexectomie / 4 = Métastectomie hépatique / 5 = Curage ganglionnaire + annexectomie / 6 = Curage ganglionnaire + métastectomie hépatique / 7 = Annexectomie + métastectomie hépatique / 8 = Curage ganglionnaire + annexectomie + métastectomie hépatique / 77 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	CCR
378	TT_CHIRCCRSTOMIE	Stomie	F2	1 = Pas de stomie / 2 = Iléostomie provisoire / 3 = Iléostomie définitive / 4 = Iléostomie sans précision / 5 = Colostomie provisoire / 6 = Colostomie définitive / 7 = Colostomie sans précision / 8 = Stomie, sans précision / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
379	TT_CHIR_SEIN_MARQ_PREOP_L6	Marquage préopératoire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein
380	TT_CHIR_SEIN_MARQ_PIECE_L6	Marquage de la pièce opératoire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein
381	TT_CHIR_SEIN_MARQ_LIT_L6	Marquage du lit tumoral	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein
382	TT_CHIR_MARGE_T_TOPO	Marge saine	F1	1 = Marge saine / 2 = Non / 3 = Reliquat in situ / 4 = reliquat invasif / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> - Base & K du sein & CCR & K prostate: uniquement 1 ou 2 ou -2 ou -1 - K du poumon : uniquement 1 ou 3 ou 4 ou -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
383	TT_CHIR_SORTIE_DATE_date	Date de sortie d'hospitalisation après chirurgie	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
384	TT_CHIR_SORTIE_DATE_datetype	Flag de la date de sortie d'hospitalisation après chirurgie	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
2.2. Procédure d'exérèse des ganglions régionaux					
385	TT_CHIRGGL_T_TOPO	Procédure d'exérèse des ggl régionaux	F3	202 = Sampling ganglionnaire / 203 = Curage médiastinal systématique / 204 = Curage médiastinal étendu / 301 = Technique des ganglions sentinelles / 302 = Curage ganglionnaire axillaire / 303 = Combinée / 401 = Limité / 402 = Etendu / 555 = Aucune procédure / 666 = Refus du patient / 777 = Autre procédure / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ K du poumon : uniquement 202 ou 203 ou 204 ou 555 ou 666 ou -1 ▪ K du sein : uniquement 301 ou 302 ou 303 ou 555 ou 666 ou -1 ▪ K de la prostate : uniquement 401 ou 402 ou 555 ou 666 ou 777 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K sein K poumon K prostate
386	TT_CHIR_GGL_DATE_date	Date de la procédure d'exérèse des ggl régionaux	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIRGGL_T_TOPO = 301 ou 302 ou 303 → champ non grisé	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
387	TT_CHIR_GGL_DATE_datetype	Flag de la date de la procédure d'exérèse des ggl régionaux	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIRGGL_T_TOPO = 301 ou 302 ou 303 → champ non grisé	K sein
388	TT_CHIRGGL_VOIE	Voie d'abord de la procédure d'exérèse des ganglions	F1	1 = Laparoscopie / 2 = Laparotomie / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIRGGL_T_TOPO = 401 ou 402 ou 777 → champ non grisé	K prostate
2.3. Reconstruction mammaire					
389	TT_CHIR_SEIN_RECONS_L2	Reconstruction mammaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / 3 = Refus du patient / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K sein
390	TT_CHIR_SEIN_RECONS_DATE_date	Date de la reconstruction mammaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIR_SEIN_RECONS_L2 = 1 → champ non grisé	K sein
391	TT_CHIR_SEIN_RECONS_DATE_datetype	Flag de la date de la reconstruction mammaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIR_SEIN_RECONS_L2 = 1 → champ non grisé	K sein

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
392	TT_CHIR_SEIN_RECONS_HOP	Etablissement reconstruction mammaire	F2	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = Autre établissement au Luxembourg / 7 = Hôpital à l'étranger / 8 = Cabinet médical en ville / 9 = CFB / 10 = Centre de radiothérapie à l'étranger / 11 = Service de médecine nucléaire, Luxembourg / 12 = Service de médecine nucléaire à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Variable utilisant uniquement les modalités de réponse 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CHIR_SEIN_RECONS_L2 = 1 → champ non grisé	K sein
393	TT_RECONS_KONTACT	Code RNC du médecin reconstruction mammaire	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CHIR_SEIN_RECONS_L2 = 1 → champ non grisé	K sein
2.4. Complications post-opératoires					
394	TT_COMPL	Complications post-opératoires	F1	0 = Aucune complication / 1 = Au moins une complication / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 1 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
395	TT_COMPL_BP_L1	Bronchopneumonie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
396	TT_COMPL_CARD_L1	Complications cardiaques	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
397	TT_COMPL_FIST_L1	Fistule anastomotique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
398	TT_COMPL_HEMO_L1	Hémorragie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
399	TT_COMPL_INF_L1	Infection du site opératoire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
400	TT_COMPL_SEPTI_L1	Septicémie	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
401	TT_COMPL_PERI_L1	Péritonite	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
402	TT_COMPL_OCCL_L1	Occlusion intestinale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé ▪ Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » ▪ Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » ▪ Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
403	TT_COMPL_ILEUS_L1	Iléus paralytique	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
404	TT_COMPL_AUTRE_L1	Autre complication	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> Seules les modalités 1 et 2 sont affichées si T_COMPL = 1, les autres sont pour un codage en bloc automatique <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_COMPL = 1 ➔ champ non grisé - Si TT_COMPL = 0 ➔ Recodage automatique en « 2 » - Si TT_COMPL = -1 ➔ Recodage automatique en « -1 » - Si TT_COMPL = -2 ➔ Recodage automatique en « -2 »	CCR
405	TT_COMPL_AUTRE_TEXT	Préciser autre complication post-op	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si TT_COMPL_AUTRE = 1 ➔ champ non grisé	CCR

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
3. Radiothérapie					
406	TT_RT_VISEE	Visée RT	F1	1 = Curative / 2 = Palliative / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
407	TT_RTCHAMP	Localisation champ irradié	F1	1 = Tumeur ou lit tumoral / 2 = 1^{er} relais ganglionnaire / 3 = 2^{ème} relais ganglionnaire / 4 = Métastase / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
408	TT_RT_IPC	RT prophylactique cérébrale	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ▪ & Si TT_RTCHAMP = 7 ➔ champ non grisé	K poumon

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
409	TT_RT_CHAMP_AUTRE_TEXT	Autre champ irradié	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_RTCHAMP = 7 ▪ & si TT_RT_IPC ≠ 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
410	TT_RT_CHAMP_RTOPO	Localisation métastase irradiée	F2	1 = Membres supérieurs / 2 = Membres inférieurs / 3 = Vertèbres / 4 = Autre localisation osseuse / 5 = Cerveau / 6 = Poumon / 7 = Cou / 8 = Autre localisation métastatique / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_RTCHAMP = 4 ➔ champ non grisé	Tous les K
411	TT_RTTYPE	Type de radiothérapie	F1	1 = Curiethérapie / 2 = Radiothérapie externe / 3 = Combiné / 4 = Autre / 5 = Cyberknife / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
412	TT_RT_DOSE	Dose totale de RT	F3	0 ➔ 999 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ▪ & Si TT_RTTYPE <> 4 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
413	TT_RT_SEANCES	Nombre de séance de RT	F2	0 ➔ 99 / NA (-2) / INC (-1) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 2 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ▪ & Si TT_RTYPE <> 4 ➔ champ non grisé	Tous les K
4. Chimiothérapie					
414	TT_CHIMIO_MODE	Mode d'administration de la chimiothérapie	F2	1 = Per os / 2 = IV / 3 = Sous-cutanée / 4 = Intra-thécale / 5 = Intra-artérielle / 6 = Intra-vésicale / 7 = Intra-péritonéale / 8 = CHIP / 9 = Autre / 10 = Combiné / -2 = NA / -1 = inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 3 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
415	TT_CHIMIOSCHEMA	Schéma de chimiothérapie	F1	1 = Mono-chimiothérapie / 2 = Bi-chimiothérapie / 3 = Tri-chimiothérapie / 4 = Quadri-chimiothérapie / 5 = Penta-chimiothérapie / 6 = Hexa-chimiothérapie / 7 = 7 ou plus molécules de chimiothérapie / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 3 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
416	TT_CHIMIO_1_MOL	Molécule de chimio N°1	F2	1 = 5-FU / 2 = Carboplatine / 3 = Cisplatine / 4 = Cyclophosphamide / 5 = Docétaxel / 6 = Epirubicine / 7 = Etoposide / 8 = Gemcitabine / 9 = Ifosfamide / 10 = Méthotrexate / 11 = Mitomycine / 12 = Paclitaxel / 13 = Pemetrexed / 14 = Vindesine / 15 = Vinorelbine / 16 = Doxorubicine / 17 = Arsenic trioxide / 18 = Azacitidine / 19 = Bendamustine / 20 = Bléomycine / 21 = Bortézomib / 23 = Busulfan / 24 = Carfilzomib / 25 = Chlorambucil / 26 = Cladribine / 27 = Cytarabine / 28 = Dacarbazine / 30 = Daunorubicine / 31 = Decitabine / 33 = Fludarabine / 34 = Gemcitabine / 35 = Hydroxycarbamide / 37 = Idarubicine / 39 = Lenalidomide / 40 = Mechlorethamine / 41 = Melphalan / 42 = Mercaptopurine / 43 = Mitoxantrone / 44 = Nelarabine / 46 = Omacetaxine / 47 = Oxaliplatine / 48 = Pentostatine / 50 = Procarbazine / 51 = Thalidomide / 52 = Vincristine / 53 = Vinblastine / 77 = Autre molécule de chimio / -2 = NA / -1 = Inconnu (nomenclature affichée par ordre alphabétique des molécules, puis « Autre », « NA » et « Inconnu »). <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CHIMIOSCHEMA = 1 à 7 ➔ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
417	TT_CHIMIO_2_MOL	Molécule de chimio N°2	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CHIMIOSCHEMA = 2 à 7 ➔ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
418	TT_CHIMIO_3_MOL	Molécule de chimio N°3	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 3 à 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
419	TT_CHIMIO_4_MOL	Molécule de chimio N°4	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 4 à 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
420	TT_CHIMIO_5_MOL	Molécule de chimio N°5	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 5 à 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
421	TT_CHIMIO_6_MOL	Molécule de chimio N°6	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 6 à 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
422	TT_CHIMIO_7_MOL	Molécule de chimio N°7	F2	Idem Molécule de chimio N°1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM
423	TT_CHIMIO_AUTRE_TEXT	Autre molécule de chimio	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_CHIMIOSCHEMA = 1 à 7 ➡ champ non grisé	K sein K poumon K prostate HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
5. Hormonothérapie					
424	TT_HORMONOMETHODE	Méthode d'hormonothérapie	F1	1 = Par voie médicamenteuse / 2 = par voie chirurgicale / 3 = par irradiation / 4 = Par méthode combinée / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 4 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K sein K prostate
425	TT_HORMONOSHEMA_T_TOPO	Schéma d'hormonothérapie	F2	1 = Suppression ovarienne / 2 = Anti- œstrogènes / 3 = Inhibiteurs de l'aromatase / 4 = Anti- œstrogènes + Suppression ovarienne / 5 = Inhibiteurs de l'aromatase + Suppression ovarienne / 6 = Suppression androgénique médicamenteuse / 7 = Suppression androgénique chirurgicale / 8 = Association suppression androgénique médicamenteuse & chirurgicale / 9 = Abiratérone (Zytiga) / 10 = Estramustine (Estracyt) / 77 = Autre hormonothérapie / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ K du sein : uniquement 1 ou 2 ou 3 ou 4 ou 5 ou 77 ou -2 ou -1 ▪ K de la prostate : uniquement 6 ou 7 ou 8 ou 9 ou 10 ou 77 ou -2 ou -1 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 4 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	K sein K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
426	TT_HORMONOSCHEMA1	Suppression ovarienne	F1	1 = Suppression ovarienne chimique / 2 = Suppression ovarienne chirurgicale / 3 = Suppression ovarienne par irradiation / 4 = Antécédents d'ovariectomie / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_HORMONOSCHEMA_T_TOPO = 1 ou 4 ou 5 → champ non grisé	K sein
427	TT_HORMONOSCHEMA2	Anti-œstrogènes	F1	1 = Tamoxifene / 2 = Fulvestrant / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_HORMONOSCHEMA_T_TOPO = 2 ou 4 → champ non grisé	K sein
428	TT_HORMONOSCHEMA3	Inhibiteurs de l'aromatase	F1	1 = Anastrozole / 2 = Exemestane / 3 = Letrozole / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_HORMONOSCHEMA_T_TOPO = 3 ou 5	K sein
429	TT_HORMONOSCHEMA4	Suppression androgénique médicamenteuse	F1	1 = Anti-androgène / 2 = Agoniste de la LHRH / 3 = Œstrogène / 4 = Association anti-androgène et agoniste de la LHRH / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si TT_HORMONOSCHEMA_T_TOPO = 6 ou 8	K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
430	TT_HORMONOSCHEMA5	Suppression androgénique chirurgicale	F1	1 = Orchiectomie bilatérale / 2 = Pulpectomie / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_HORMONOSCHEMA_T_TOPO = 7 ou 8	K prostate
431	TT_HORMONO_SCHEMA_AUTRE_TEXT	Autre schéma d'hormonothérapie	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 4 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein K prostate
6. Thérapie ciblée					
432	TT_CIBLEESCHEMA	Schéma de thérapie ciblée	F2	1 = Trastuzumab / 2 = Bevacizumab / 3 = Erlotinib / 4 = Gefitinib / 5 = Crizotinib / 6 = Alemtuzumab / 7 = Brentuximab vendotin / 8 = Everolimus / 9 = Obinutuzumab / 10 = Ofatumumab / 11 = Peginterferon alpha 2a / 12 = Rituximab / 13 = Bosutinib / 14 = Dasatinib / 15 = Ibrutinib / 16 = Imatinib / 17 = Nilotinib / 18 = Ponatinib / 19 = Sorafenib / 20 = Cetuximab / 21 = Dénosumab / 22 = Pertuzumab / 23 = Panitumumab / 77 = Autre thérapie ciblée / -2 = NA / -1 = Inconnu (nomenclature affichée par ordre alphabétique des molécules, puis « Autre », « NA » et « Inconnu »). <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 5 ▪ & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 ➔ champ non grisé	K sein K poumon HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
433	TT_CIBLEE_AUTRE_TEXT	Autre thérapie ciblée	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> Si TT_CIBLEESHEMA = 77 → champ non grisé	K sein K poumon HM
7. Greffe de cellules souches					
434	TT_GREFFE_CS	Greffe de cellules souches	F1.0	1 = Oui, autogreffe / 2 = Oui, allogreffe / 3 = Oui, sans précision / - 2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> - Si TT_TTYPE_T_MORPHO = 6 & Si TT_REFUS_PATIENT_ON = 2 → champ non grisé	HM
8. Commentaires Traitement					
435	TT_COMMENT	Commentaires Table TRAITEMENT	TEXTE		Tous les K
D. Suivi de la tumeur					
1. Diagnostic révisé de la tumeur					
436	T_DIAG_REVISE_ON	Diagnostic révisé	F1	1 = Oui / 2 = Non	Tous les K
437	T_DIAG_REVISE_DATE_date	Date diagnostic révisé	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_DIAG_REVISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
438	T_DIAG_REWISE_DATE_datetype	Flag de la date du diagnostic révisé	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K
439	T_INCIDENCE_REWISE_DATE_date	Date d'incidence révisée	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K
440	T_INCIDENCE_REWISE_DATE_datetype	Flag de la date d'incidence révisée	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K
441	T_REWISE_BASEDIAG	Base du diagnostic révisée	F1	0 = Certificat de décès uniquement / 1 = Clinique / 2 = Investigation clinique / 4 = Biomarqueurs tumoraux spécifiques / 5 = Cytologie / 6 = Histologie d'une métastase / 7 = Histologie de la tumeur primitive / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K
442	T_REWISE_TOPO	Topo révisé	F3	Liste des codes CIM-O-3 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 → champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
443	T_REVISE_TOPOPEAU	Topo peau révisée	F4	Liste des codes topo peau ENCR (<i>Liste du 19/08/2014</i>) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_REVISE_TOPO = C44* ➔ champ non grisé	Tous les K
444	T_REVISE_LATERAL	Latéralité révisée	F1	1 = Droite / 2 = Gauche / 3 = Bilatérale / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_REVISE_TOPO = organes pairs ou apparentés (<i>cf. liste du 29/03/2017</i>) ➔ champ non grisé	Tous les K
445	T_REVISE_MORPHO	Morpho révisée	F5	Liste des codes CIM-O-3 (4 digits morpho & 1 digit comportement) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REVISE_ON = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
446	T_REVISE_GRADE	Grade révisé	F1	1 = Grade I / 2 = Grade II / 3 = Grade III / 4 = Grade IV / 5 = Cellule T / 6 = Cellule B / 7 = Cellule nulle / 8 = Cellule NK / 9 = Indéterminé <u>Filtre sur les modalités de réponse :</u> ▪ Base, K sein, K poumon, CCR & K Prostate : uniquement 1, 2, 3 4 ou 9 ▪ HM : uniquement 5, 6, 7, 8 ou 9 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REVISE_ON = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
447	T_REWISE_LABO	Labo ayant fait la révision du diagnostic	F2	0 = Labo HRS / 1 = LNS / 2 = Labo CHL / 3 = Labo CHEM / 4 = Labo CHdN / 5 = Labo CHK / 6 = Labo ZK / 7 = Ketterthill / 8 = Laboratoires réunis / 9 = Laboratoire des Forges du Sud / 10 = Autre labo Luxembourg / 11 = Laboratoire étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_DIAG_REWISE_ON = 1 ➔ champ non grisé	Tous les K
2. Récidive locorégionale					
448	T_RECIDIVE	Récidive	F1	1 = Oui, locale / 2 = Oui, régionale / 3 = Oui, locorégionale / 4 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
449	T_RECIDIVE_DATE_date	Date de la récidive	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RECIDIVE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
450	T_RECIDIVE_DATE_datatype	Flag de la date de la récidive	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RECIDIVE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
451	T_RECIDIVE_BASEDIAG2	Base du diagnostic récidive	F1	0 = Certificat de décès uniquement / 1 = Clinique / 2 = Investigation clinique / 4 = Biomarqueurs tumoraux spécifiques / 5 = Cytologie / 6 = Histologie d'une métastase / 7 = Histologie de la tumeur primitive / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_RECIDIVE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
3. Métastases à distance pendant le suivi					
452	T_META_L1	Survenue méta à distance	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	Base K sein K poumon CCR K prostate
453	T_META_DATE_date	Date de survenue méta à distance	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
454	T_META_DATE_datetype	Flag de la date de survenue méta à distance	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
455	T_META_BASEDIAG2	Base du diagnostic méta à distance pdt le suivi	F1	0 = Certificat de décès uniquement / 1 = Clinique / 2 = Investigation clinique / 4 = Biomarqueurs tumoraux spécifiques / 5 = Cytologie / 6 = Histologie d'une métastase / 7 = Histologie de la tumeur primitive / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
456	T_META_LYMPH_L1	Méta lymphatique à distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
457	T_META_CEREBRALE_L1	Méta cérébrale à distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
458	T_META_HEPA_L1	Méta hépatique à distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
459	T_META_OS_L1	Méta osseuse à distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
460	T_META_PULM_L1	Méta pulmonaire à distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
461	T_META_AUTRE_L1	Autre méta é distance pdt suivi	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
462	T_META_AUTRE_TEXT	Préciser autre méta à distance pdt suivi	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_META_AUTRE_L1 = 1 ➔ champ non grisé	Base K sein K poumon CCR K prostate
4. Transformation					
463	T_TRANSFO_L1	Survenue d'une transformation	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	HM
464	T_TRANSFO_DATE_date	Date transformation	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TRANSFO_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM
465	T_TRANSFO_DATE_datatype	Flag de la date de la transformation	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TRANSFO_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
466	T_TRANSFO_TOPO	Topo transformation	F3	Liste des codes CIM-O-3 <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TRANSFO_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM
467	T_TRANSFO_MORPHO	Morpho transformation	F5	Liste des codes CIM-O-3 (4 digits morpho & 1 digit comportement) <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_TRANSFO_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM
5. Rémission complète					
468	T_REMISSION_L1	Rémission complète	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	HM
469	T_REMISSION_DATE_date	Date rémission	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_REMISSION_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM
470	T_REMISSION_DATE_datetype	Flag de la date de la rémission	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_REMISSION_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM
6. Maladie réfractaire / progression					
471	T_REFRACATAIRE_L1	Maladie réfractaire	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	HM
472	T_REFRACATAIRE_DATE_date	Date maladie réfractaire	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_REFRACATAIRE_L1 = 1 ➔ champ non grisé	HM

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
473	T_REFRACTAIRE_DATE_datetype	Flag de la date de la maladie réfractaire	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_REFRACTAIRE_L1 = 1 → champ non grisé	HM
7. Rechute					
474	T_RECHUTE_L1	Survenue d'une rechute	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu	HM
475	T_RECHUTE_DATE_date	Date rechute	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> Si T_RECHUTE_L1 = 1 → champ non grisé	HM
476	T_RECHUTE_DATE_datetype	Flag de la date de la rechute	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si T_RECHUTE_L1 = 1 → champ non grisé	HM
E. Réunion de Concertation Pluridisciplinaire					
1. RCP : Généralités					
477	RCP_ID	Identification RCP	Chaine	Génération automatique par ONCOLIN	Tous les K
478	RCP_RCPREALISEE	RCP réalisée	F1	1 = Oui, dossier présenté / 2 = Oui, dossier discuté / 3 = Oui, sans précision / 4 = Non / 5 = Refus du patient / -2 = NA / -1 = Inconnu	Tous les K
479	RCP_DATE_date	Date de la RCP	DATE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 → champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
480	RCP_DATE_datetype	Flag de la date de la RCP	F1	1 = Année / 2 = Mois & Année / 3 = Date complète / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
481	RCP_RCPLIEU	Lieu de la RCP	F2	0 = HRS / 1 = CHL / 2 = CHEM / 3 = CHdN / 4 = CHK / 5 = ZK / 6 = RCP interinstitutionnelle / 7 = RCP Institut National Cancer / 8 = RCP à l'étranger / 9 = CFB / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
482	RCP_RCPINTITULE	Intitulé de la RCP	F2	1 = RCP de cancérologie générale / 2 = RCP Sein - Tumeurs gynécologiques / 3 = RCP prostate - Tumeurs urologiques / 4 = RCP cancer colorectal - Tumeurs digestives / 5 = RCP poumon / 6 = RCP ORL - Tête & Cou / 7 = RCP Thyroïde / 8 = RCP Cyberknife / 77 = Autres types de RCP spécialisées / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
2. Participation					
483	RCP_COORDO_KONTACT	Code RNC du médecin modérateur RCP	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
484	RCP_MEDPAT_KONTACT	Code RNC du médecin rapporteur	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
485	RCP_MED1_KONTACT	Code RNC médecin N°1	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
486	RCP_MED2_KONTACT	Code RNC médecin N°2	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED1_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
487	RCP_MED3_KONTACT	Code RNC médecin N°3	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED2_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
488	RCP_MED4_KONTACT	Code RNC médecin N°4	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED3_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
489	RCP_MED5_KONTACT	Code RNC médecin N°5	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED4_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
490	RCP_MED6_KONTACT	Code RNC médecin N°6	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED5_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
491	RCP_MED7_KONTACT	Code RNC médecin N°7	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED6_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
492	RCP_MED8_KONTACT	Code RNC médecin N°8	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED7_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
493	RCP_MED9_KONTACT	Code RNC médecin N°9	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED8_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
494	RCP_MED10_KONTACT	Code RNC médecin N°10	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED9_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
495	RCP_MED11_KONTACT	Code RNC médecin N°11	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED10_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
496	RCP_MED12_KONTACT	Code RNC médecin N°12	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED11_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
497	RCP_MED13_KONTACT	Code RNC médecin N°13	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED12_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
498	RCP_MED14_KONTACT	Code RNC médecin N°14	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED13_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
499	RCP_MED15_KONTACT	Code RNC médecin N°15	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED14_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
500	RCP_MED16_KONTACT	Code RNC médecin N°16	F5	Liste nomenclature médecin / 6 = Autre médecin / 7 = Médecin exerçant à l'étranger / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_MED15_KONTACT ≠ NA ➔ champ non grisé	Tous les K
3. Proposition thérapeutique					
501	RCP_RCPPROPOSITION	Nature de la proposition	F1	1 = Nécessité d'examens complémentaires / 2 = Mise en traitement / 3 = Surveillance / 4 = Recours à une RCP de référence / 7 = Autre / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K
502	RCP_ESSAI_CLIN_L1	Proposition thérapeutique essai	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
503	RCP_CODE_ESSAI_CLIN	Code essai thérapeutique	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_ESSAI_CLIN_L1= 1 ➔ champ non grisé	Tous les K

N°	Variables	Etiquettes	Format	Modalités de réponse	Module
504	RCP_CHIR_L1	Chirurgie proposée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
505	RCP_CHIMIO_L1	Chimiothérapie proposée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
506	RCP_HORMONO_L1	Hormonothérapie proposée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
507	RCP_RT_L1	Radiothérapie proposée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
508	RCP_AUTRE_TT_L1	Autre traitement proposée	F1	1 = Oui / 2 = Non / -2 = NA / -1 = Inconnu <u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPPROPOSITION = 2 ➔ champ non grisé	Tous les K
4. Commentaires RCP					
509	RCP_COMMENT	Commentaires Table RCP	TEXTE	<u>Champ conditionnel :</u> ▪ Si RCP_RCPREALISEE = 1 à 3 ➔ champ non grisé	Tous les K